ности выделенных лимфоцитов (трипановый тест); 4) культивирование клеток в полной питательной среде в CO_2 -инкубаторе при 37 °C с добавлением рекомбинантных интерлейкинов IL-12 (20 нг/мл) и IL-27 (10 нг/мл) (еВіоscience Company, США). Время инкубации лимфоцитов для оценки экспрессии IL-12Rβ2 составляло 48 ч, для оценки экспрессии T-bet — 60 мин. Количество Т-лимфоцитов, экспрессирующих IL-12Rβ2 или содержащих активную форму транскрипционного фактора T-bet, оценивали методом двухцветной проточной цитофлуориметрии с использованием изотипических контролей (R&D Systems, США). Статистическую обработку полученных результатов проводили с использованием стандартных алгоритмов биометрии.

Результаты. В ходе исследования установлено снижение процентного (p1<0,001) и абсолютного (p1<0,01) числа CD3+T-bet+- и CD3+IL12Rβ2+-лимфоцитов у больных инфильтративным ТЛ относительно показателей в группе контроля, наиболее выраженное при ЛУТЛ. Численность CD3+T-bet--лимфоцитов при лекарственно-чувствительном варианте ТЛ не отличалась от контрольных значений и увеличивалась

(р1<0,01) у пациентов с ЛУТЛ. Наряду с этим у больных ТЛ отмечалось увеличение по сравнению с группой контроля процентного (р1<0,001) и абсолютного (р1<0,01) количества Т-лимфоцитов, негативных по IL- $12R\beta2$ (CD3+IL1 $2R\beta2$).

Обсуждение и выводы. Уменьшение количества CD3+T-bet+-клеток в условиях их IL-12/IL-27-индукции in vitro свидетельствует о нарушении механизмов активации транскрипционного фактора T-bet, что может быть связано с нарушением экспрессии рецепторных молекул к IL-27 (WSX-1/qp130) и/или механизмов сигнальной JAK1/TYK2-STAT1-трансдукции активационного сигнала от IL-27. Учитывая, что важным эффектом T-bet является индукция экспрессии поверхностной β2-субъединицы рецептора к IL-12, снижение его активности в Т-клетках можно рассматривать в качестве ключевого фактора дефицита CD3+IL12Rβ2+-лимфоцитов у больных ТЛ и, как следствие, дисрегуляции цитокин-опосредованной активации Т-лимфоцитов на этапе запуска иммунного ответа на M. tuberculosis. Работа выполнена при поддержке Совета по грантам Президента РФ для поддержки ведущих научных школ НШ-4184.2014.7.

Роль Th17-лимфоцитов в противотуберкулезном иммунитете

Т.Е. Кононова¹, О.И. Уразова¹, В.В. Новицкий^{1,2}

¹ Сибирский государственный медицинский университет; ² Национальный исследовательский Томский государственный университет

Введение. Отсутствие полного понимания механизмов, лежащих в основе формирования эффективной противотуберкулезной защиты, является одним из факторов недостаточной эффективности иммунотерапии больных туберкулезом. В последнее время активно изучается субпопуляция CD4+ Т-лимфоцитов—Т-лимфоцитов-хелперов (Th) типа 17. Установлена роль данных клеток в развитии протективного иммунного ответа против внутриклеточных патогенов. Не исключается и их роль в борьбе с *М. tuberculosis*.

Цель. Исследовать роль Th17-лимфоцитов в иммунопатогенезе туберкулеза легких (ТЛ). Задачи: оценить экспрессию мРНК транскрипционного фактора RORC2 в лимфоцитах у больных ТЛ и определить количество CD4+CD161+IL-17A+ Th17-лимфоцитов и их цитокин-секреторную активность (продукцию IL-17A и IL-22) у больных ТЛ.

Материалы и методы. Обследовано 85 пациентов ОГБУЗ «Томский фтизиопульмонологический медицинский центр» с впервые выявленным ТЛ (64 муж-

чины и 21 женщина, средний возраст 41,21±11,29 года) в зависимости от клинической формы (инфильтративный, диссеминированный) и варианта (лекарственно-чувствительный (ЛЧ) и лекарственно-устойчивый (ЛУ) заболевания. Контрольную группу составили 25 здоровых доноров. Материалом служила венозная кровь. Мононуклеарные лейкоциты выделяли из крови методом градиентного центрифугирования (p=1,077 г/см³). CD4+CD161+IL-17A+ Th17-лимфоциты типировали методом проточной цитометрии согласно протоколам Becton Dickinson (США). Для определения содержания IL-17A и IL-22 в супернатантах культуральных суспензий использовали твердофазный иммуноферментный метод (ELISA) (R&D Systems, США). Выделение тотальной РНК из клеток осуществляли сорбентно-колоночным методом по инструкции производителя (QIAGEN, Германия). Для синтеза комплементарной ДНК (кДНК) на матрице РНК проводили реакцию обратной транскрипции, используя реагенты фирмы «Синтол» (Россия). Фрагмент кДНК амплифицировали методом ПЦР в режиме реального времени с использованием интеркалирующего красителя SYBR Green I («Синтол», Россия). Статистический анализ полученных результатов осуществляли с помощью пакета прикладных программ Statistica for Windows Version 6.0 (StatSoftInc., США, 2007).

Результаты. Установлено увеличение экспрессии мРНК RORC2 в лимфоцитах у пациентов с инфильтративным (ЛЧТЛ и ЛУТЛ) и диссеминированным ЛЧТЛ в 2 раза (р<0,05) по сравнению с группой здоровых доноров. Исключение составили больные с диссеминированным ЛУТЛ, у которых уровень экспрессии мРНК RORC2 не отличался от нормы. При оценке содержания CD4+CD161+IL-17A+ Th17-лимфоцитов в крови у пациентов с ТЛ выявлено его повышение (в 2,4 раза, р<0,05), за исключением группы больных с диссеминированным ЛУТЛ, у которых оно не отличалось от нормы, но было достоверно ниже, чем у больных инфильтративным ЛУТЛ (в 2,8 раза, р<0,05). При исследо-

вании функциональной активности Th17-лимфоцитов установлено увеличение секреции *in vitro* их ключевых цитокинов — IL-17A и IL-22 в среднем в 2,2 и 2,7 раза соответственно (p<0,05) у больных ТЛ по сравнению с группой здоровых доноров.

Обсуждение и выводы. Повышение экспрессии мРНК RORC2, а также количества и функциональной активности Th17-лимфоцитов может рассматриваться как реакция, направленная на компенсацию нарушений Th1-иммунного ответа. Опосредованное Th17-цитокинами привлечение нейтрофилов, макрофагов и Th1-клеток в очаг воспаления, стабилизация структуры гранулемы, активация процессов регенерации и элиминация *М. tuberculosis* способствуют формированию эффективной противотуберкулезной защиты и контролю инфекционного процесса.

Исследование выполнено при финансовой поддержке Совета по грантам Президента РФ для поддержки ведущих научных школ № НШ-4184.2014.7.

Полиморфизм гена IL-2 и IL-10 у больных рецидивом туберкулеза легких на фоне модуляции цитокинов

М.М. Кужко 1 , Д.А. Бутов 2 , А.Л. Степаненко 2 , Т.С. Бутова 2

¹ Национальный институт фтизиатрии и пульмонологии им. Ф.Г. Яновского НАМН Украины; ² Харьковский национальный медицинский университет

Введение. Туберкулез является основной причиной заболеваемости и смертности во всем мире (WHO, 2013). В принципе обычно заражение зависит от сложного взаимодействия хозяина, МБТ и внешних факторов (Bellamy R. et al., 2000). Одним из таких основных факторов при туберкулезе являются особенности инфицированного штамма МБТ, характер иммунного ответа и генетические особенности макроорганизма (Новицкий В.В. и др., 2005). Основную роль при специфическом воспалении играют альвеолярные макрофаги и Т-лимфоциты, которые могут дифференцироваться на различные субпопуляции в зависимости от качества и дозы антигена, а также продуцирование ими различных цитокинов. Так, одними из основных цитокинов, которые играют большую роль в определении субпопуляции Т-лимфоцитов, являются интерлейкины IL-2 и IL-10 (Johnson J.L. et al., 2003). Кроме этого, характер течения воспалительного ответа, направленность противоинфекционного иммунитета при туберкулезной инфекции в значительной степени определяются особенностями межклеточной кооперации иммуноцитов, как модулированными в ответ на

воздействие МБТ, так и генетически детерминированными. Структурные особенности генов цитокинов могут обусловливать дифференциацию иммунного ответа организма на бактериальную агрессию, определяя ход и последствия болезни. Гены цитокинов характеризуются большей или меньшей активностью, в связи с чем можно определить их по уровню соответствующих интерлейкинов (Bidwell J.L. et al., 2013). В связи с этим целью данного исследования было изучить полиморфизм гена IL-2 и IL-10 у больных рецидивом туберкулеза легких (РТБ) на фоне модуляции цитокинов.

Материалы и методы. В исследование были включены 130 человек Харьковского региона Украины, из них 100 больных РТБ (1-я группа) и 30 относительно здоровых доноров (2-я руппа). Уровень цитокинов (IL-2 и IL-10) в сыворотке венозной крови изучался методом иммуноферментного анализа. Исследование полиморфных участков генов цитокинов проводили с использованием рестрикционного анализа продуктов амплификации специфических участков генома. Исследовали два полиморфных варианта цитокинов: Т-330G гена IL-2 и G-1082A гена IL-10.